

# Accounts of Materials & Surface Research

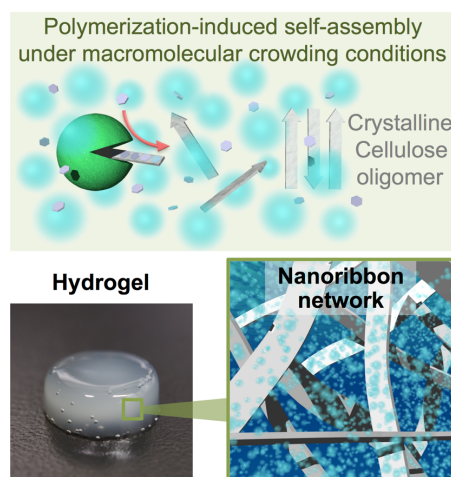
## Nanostructural Control of Crystalline Cellulose Oligomers through Polymerization-Induced Self-Assembly under Macromolecular Crowding Conditions

Yuuki Hata,<sup>1</sup> Toshiki Sawada,<sup>1,2</sup> and Takeshi Serizawa<sup>1,\*</sup>

<sup>1</sup>Department of Chemical Science and Engineering, School of Materials and Chemical Technology, Tokyo Institute of Technology, 2-12-1-H121 Ookayama, Meguro-ku, Tokyo 152-8550, Japan

<sup>2</sup>Precursory Research for Embryonic Science and Technology, Japan Science and Technology Agency, 4-1-8 Honcho, Kawaguchi-shi, Saitama 332-0012, Japan  
serizawa@polymer.titech.ac.jp

Polymerization-induced self-assembly (PISA) that synthesizes amphiphilic polymers through polymerization for in situ self-assembly of the polymers into unique nanostructures in the reaction media is an emerging and facile strategy to control polymeric nanostructures. This review outlines our recent findings in PISA of crystalline cellulose oligomers, which are synthesized by enzymatic reactions under macromolecular crowding conditions. The reaction media are transformed into hydrogels composed of crystalline nanoribbon networks. We propose the formation mechanism for nanoribbon network hydrogels and apply the concept to the preparation of double network gels with excellent mechanical properties.



**Keyword:** Polymerization-Induced Self-Assembly, Crystalline Cellulose Oligomer, Macromolecular Crowding, Hydrogel, Double Network Gel

Yuuki Hata received his BS (2014) and MS (2016) degree from Tokyo Institute of Technology under the supervision of Professor Takeshi Serizawa. He is currently carrying out his doctoral studies in the same group.

Toshiki Sawada received his PhD in biochemistry from Tokyo Institute of Technology in 2010 under the supervision of Professor Hisakazu Mihara. Currently, he works as an Assistant Professor with Professor Takeshi Serizawa, first at The University of Tokyo in 2010 and then at Tokyo Institute of Technology from 2012. He is a PRESTO researcher of Japan Science and Technology Agency as a concurrent position from 2017.

Takeshi Serizawa received his PhD in biotechnology from Tokyo Institute of Technology in 1996 under the supervision of Professor Toshinori Sato, who is now a Professor at Keio University. From 1996 to 2003, he worked with Professor Mitsuru Akashi as an Assistant Professor and then as an Associate Professor at Kagoshima University. He moved to The University of Tokyo in 2004 and began his own research group. He has worked at Tokyo Institute of Technology, since 2011 as a full Professor.



# 高分子クラウディング環境下での重合誘起自己組織化による 結晶性セルロースオリゴマーのナノ構造制御

秦 裕樹<sup>1</sup>・澤田敏樹<sup>1,2</sup>・芹澤 武<sup>1,\*</sup>

<sup>1</sup> 東京工業大学 物質理工学院 応用化学系

<sup>2</sup> 科学技術振興機構 さきがけ

## 1. はじめに

溶液中における分子の自己組織化は、低エネルギーかつ簡便なプロセスで構造制御されたナノ構造体を構築する魅力的な手法である。一般に分子の自己組織化は、分子をあらかじめ合成した後に所定の溶媒中で自己組織化させる。一方で、重合反応により生成した分子をその場で自己組織化させる、いわゆる重合誘起自己組織化 (Polymerization-Induced Self-Assembly, PISA) がより簡便な手法として近年、注目を集めている<sup>1,2)</sup>。例えば、重合すると溶媒に不溶化するモノマーを溶解した高分子鎖から伸長させると、生成したブロック共重合体が球状<sup>3-5)</sup>、ワーム状<sup>3-5)</sup>、ベシクル状<sup>3-5)</sup>、クラゲ状<sup>4)</sup>、多区画ベシクル状<sup>3)</sup>などの多様なナノ構造体にその場で自己組織化することが報告されている。また、合成高分子のみならず、生体高分子にも PISA は適用されている。例えば、酵素反応により生成されるペプチドや多糖の PISA では、天然には見られないナノ構造体を人工的に構築できる<sup>6-9)</sup>。このように PISA は、新たな構造特性や機能をもつナノ構造体を自在構築する潜在性を有している。

高分子クラウディング環境とは、細胞内のように様々な分子が極めて高濃度で存在している状態を指し、この高分子クラウディング環境が分子の自己組織化に多大な影響を及ぼすことが広く知られている<sup>10-12)</sup>。これまでに、水溶性高分子の高濃度水溶液により高分子クラウディング環境を構築し、様々な物理・化学的現象が見出されてきた。例えば、高分子クラウディング環境下では溶液粘度が増大するため、溶解した他の分子やコロイド粒子の拡散速度が低下する<sup>13)</sup>。また、クラウディング高分子が示す排除体積効果は、溶解した他のコロイド

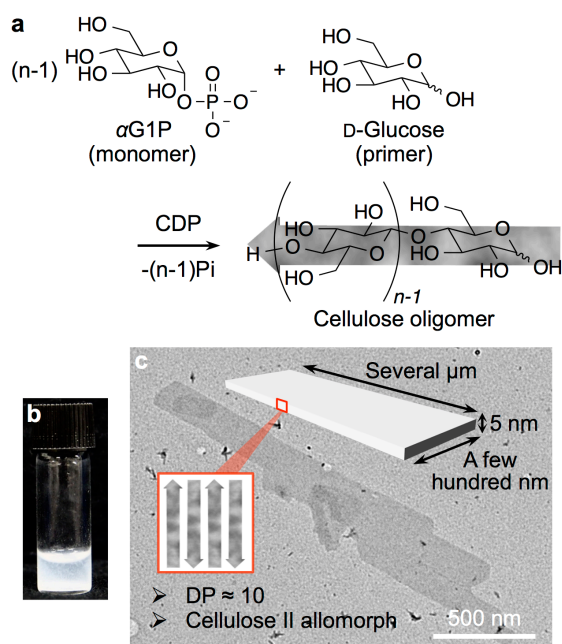
粒子が侵入できない領域をつくり出すため、その結果としてコロイド粒子間に枯渇斥力を生じさせ、コロイド粒子の凝集を過渡的に抑制する<sup>14)</sup>。これらのことから、高分子クラウディング環境は分子の自己組織化を制御する手法として有用であることが期待できる。しかしながら、材料創製の観点からはほとんど利用されてこなかった。

筆者らは最近、高分子クラウディング環境下での酵素反応に基づいてセルロースの PISA を実施すると、セルロースオリゴマーからなる結晶性のナノリボンネットワークが生成され、ユニークなハイドロゲルとなることを見出した。そこで本稿では、その概要、生成メカニズム、応用例について紹介する。

## 2. セルロースの重合誘起自己組織化による ナノ構造体の構築

トップダウン手法により調製される、天然由来のセルロースナノファイバーやセルロースナノ結晶 (いわゆるナノセルロース) は、化学的な安定性や高い力学強度などの優れた特長をもつため、機能性材料の素材として有望である<sup>15-17)</sup>。しかしながら、これら天然由来のナノセルロースの形態は、繊維あるいはロッド状に限定され、また、機能基の導入には一般に煩雑な反応プロセスが必要である。

一方、酵素を触媒としたセルロースの合成反応に基づく PISA は、新奇なセルロース系ナノ構造体を高純度でボトムアップ構築する有用な手法である<sup>6-8)</sup>。例えば、水溶性セルロースオリゴマーの加リン酸分解酵素であるセロデキストリンホスホリラーゼ (CDP) の逆反応を利用すると、プライマーであるグルコースからモノマーである  $\alpha$ -グルコース 1-リン酸 ( $\alpha$ G1P) が繰り返し脱リン酸縮合する重合反応が進行する (Figure 1a)<sup>18,19)</sup>。この際、セルロース分子鎖の



**Figure 1.** The nanosheet composed of cellulose oligomers formed via PISA. a) Synthetic scheme of cellulose oligomers by the CDP-catalyzed reaction. b) Photograph of the reaction medium. c) Transmission electron microscopy image and schematic illustration of the nanosheet.

重合度が 7 以上となると水に不溶化するため<sup>20)</sup>、その場で自己組織化してシート状のナノ構造体が沈殿物として得られる (Figure 1b,c)。このナノシートは平均重合度 10 程度のセルロースオリゴマーからなり、分子鎖が膜厚方向に逆平行に配列したセルロース II 型とよばれるラメラ結晶を形成している。

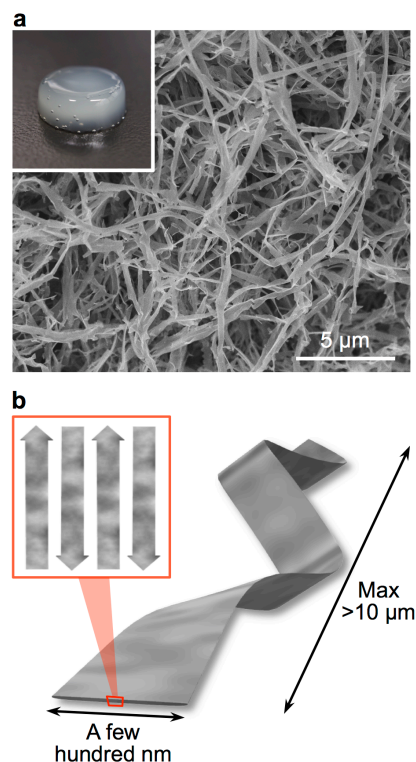
酵素反応の特長の一つに高い基質特異性があるが、興味深いことに *Clostridium thermocellum* YM4 由来の CDP は、グルコースのみならず、アノマー位に置換基をもつグルコース誘導体もまた基質として認識する。そのため筆者らのグループでは、様々なグルコース誘導体をプライマーとして利用することにより、特徴的な形態や表面に機能基をもつナノ構造体が構築できることを見出している<sup>21-25)</sup>。このように、CDP を利用したセルロースオリゴマーあるいはその誘導体の PISA が新奇なセルロース系ナノ構造体を構築する手法として有用であることが明らかになりつつある。

### 3. 高分子クラウディング環境下でのナノリボンネットワーク形成

セルロースの PISA において、その自己組織化プロセスを変調できれば、ナノ構造体の形

態や機能を制御できる可能性がある。しかしながら、通常の下条件下では、生成物は凝集、沈殿するため、高次構造へのさらなる発達は阻害されている。筆者らは、Figure 1 の PISA を高分子クラウディング環境下で行えば、拡散速度の低下や枯渇斥力により前駆体(ここでは、コロイド状のナノシート)の凝集を抑制し、構造形成が促進されるものと考えた。この仮説を検証するために、デキストラン (Dex)、ポリエチレングリコール (PEG)、ポリビニルピロリドン (PVP) をクラウディング高分子として高濃度水溶液 (10% (w/v)) を調製し、それらの水溶液中で CDP を触媒とするセルロースの PISA を検討した。その結果、生成物は沈殿することなくネットワークを生成し、反応液はゲル化した (Figure 2a, inset)<sup>26)</sup>。

ハイドロゲル中のクラウディング高分子を精製操作により除去し、凍結乾燥して走査型電子顕微鏡 (SEM) 観察した結果、分岐のないリボン状のナノ構造体からなるよく発達したネッ



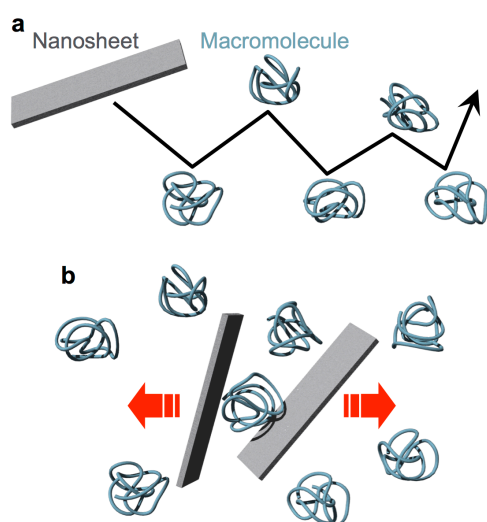
**Figure 2.** The nanoribbon network composed of cellulose oligomers formed via PISA under macromolecular crowding conditions. a) SEM image of the xerogel prepared in the presence of Dex. Inset shows a photograph of the hydrogel. b) Schematic illustration of the nanoribbon. Reproduced in part with permission from Y. Hata et al., *ACS Macro Lett.* **2017**, *6*, 165, American Chemical Society.



トワークが観察された (Figure 2a)。詳細な構造解析の結果、このナリボンは平均重合度 9 程度のセルロースオリゴマーからなり、それらが II 型結晶を形成していることがわかった。さらに、原子間力顕微鏡観察からナリボンの厚さはおよそ 5.5 nm であった。この値は重合度 9 のセルロースオリゴマーが II 型結晶を形成した際の分子鎖長 (4.7 nm) とよく一致することから、分子鎖がナリボンの膜厚方向に垂直に逆平行配列していることが示唆された (Figure 2b)。長さ以外のナリボンの構造的特徴は、非高分子クラウディング環境下で合成したナノシート (Figure 1) と酷似していることから、ナノシート状の前駆体が凝集することなく長軸方向に異方的に生長してナリボンとなり、それらが物理的に絡み合うことでハイドロゲルを形成したことが推察された。

#### 4. 構造発達ならびにマクロな構造均一性の要因

高分子クラウディング環境下でセルロースオリゴマーが構造発達する要因として、溶液粘度が増大することにより、拡散速度が低下する (Figure 3a)<sup>13)</sup> ことや、高分子の排除体積効果により生じる枯渇斥力 (Figure 3b)<sup>14)</sup> により、コロイド状前駆体の凝集が速度論的に抑制されることが考えられる。そこで、前者の効果を明確にするために、溶液粘度が異なる高分子

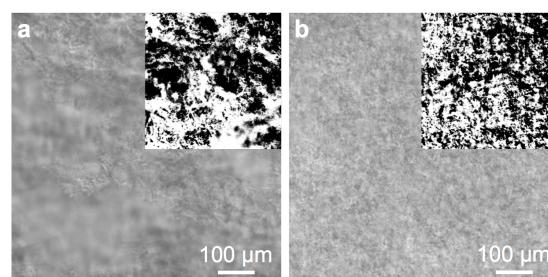


**Figure 3.** Possible mechanisms for the suppression of aggregation of the precursors (colloidal nanosheets) under macromolecular crowding conditions. Schematic illustrations of a decrease in the diffusion rate of the nanosheets (a) and depletion repulsion between the nanosheets (b).

クラウディング環境下で PISA を実施し、ゲル生成への影響を評価した<sup>27)</sup>。高分子クラウディングの調製に用いられる水溶性高分子の中でも、スクロースとエピクロロヒドリンの共重合体である Ficoll は多分岐構造をもつため、比較的 low 粘度の高分子クラウディング環境を調製できる<sup>10,13,28)</sup>。実際に、同濃度 (10% (w/v)) の Dex または Ficoll を含む酵素反応液の粘度を測定したところ、それぞれ  $8.4 \pm 0.2$  mPa s 及び  $2.8 \pm 0.1$  mPa s であり、確かに Ficoll を用いることで低粘度の高分子クラウディング環境を構築できた。

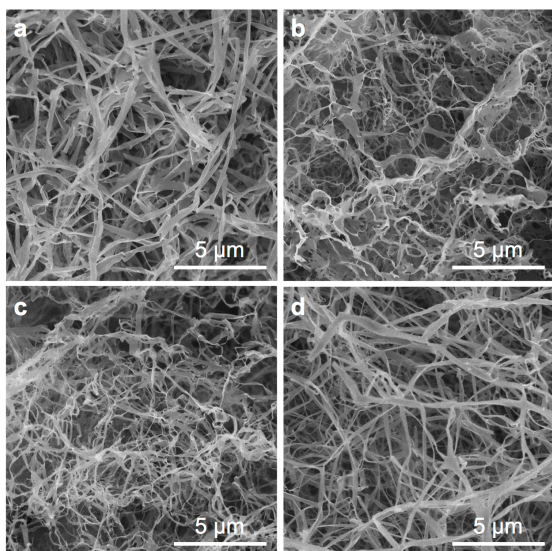
そこで、Ficoll 水溶液中でセルロースの PISA を実施した。その結果、他の水溶性高分子の場合と同様にナリボンネットワークからなるハイドロゲルが生成された。しかしながら、ハイドロゲルを光学顕微鏡観察した結果、Ficoll の場合にはサブ mm スケールの不均一性が観察されたのに対し、Dex の場合には相対的に均一であり、マクロなスケールでの均一性が異なることがわかった (Figure 4)。低粘度下でマクロな不均一性を生じる理由は明らかではないが、より均一なナリボンネットワークが生成されるためには、高い溶液粘度が必要であることが示唆された。一方で、枯渇斥力もナリボンネットワークの均一性に寄与しているものと考えられるが、現状では両者の寄与の内訳は明らかとなっていない。今後、クラウディング高分子の排除体積と、ハイドロゲルの生成や各スケールでの構造均一性との相関を評価することで、両者の寄与が明らかになるものと考えている。

ナリボンの形態制御の観点から SEM 写真を比較した結果、クラウディング高分子の種類によってナリボンの幅や長さが異なることが



**Figure 4.** Optical microscopy images of the hydrogels prepared in the presence of Ficoll (a) and Dex (b). Insets represent the binary images. Reproduced in part with permission from Y. Hata *et al.*, *Polym. J.* **2017**, *49*, 575, Springer Nature.





**Figure 5.** SEM images of the hydrogels prepared in the presence of Dex (a), PEG (b), PVP (c), and Ficoll (d). Reproduced in part with permission from Y. Hata *et al.*, *ACS Macro Lett.* **2017**, *6*, 165, American Chemical Society and Y. Hata *et al.*, *Polym. J.* **2017**, *49*, 575, Springer Nature.

わかった (Figure 5)。Dex や Ficoll の場合、ほとんどのナリボンの幅が 200–300 nm であり、また長さは 10  $\mu\text{m}$  以上に達するのに対し、PEG や PVP の場合には、200 nm 以下の幅をもつナリボンが多く観察され、また長さは最大でも 3  $\mu\text{m}$  程度であった (なお、SEM ではゲルの断面を観察しているため、ナリボンの長さを過小評価している可能性がある)。加えて、Dex や Ficoll の場合の方がナリボンの直線性が比較的高く、より剛直である様子が観察された。これはおそらく、ナリボンの幅が広いこと、結晶サイズが大きいことが寄与しているものと考えられる。

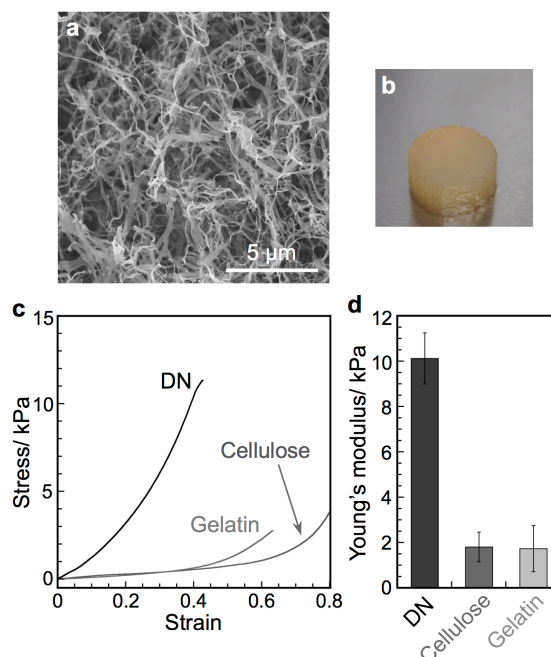
このように、Dex や Ficoll により調製した高分子クラウディング環境下における PISA の方が、よく発達したナリボンが生成されることが明らかとなった。これらのクラウディング高分子の場合には、結晶核が生成する頻度が低下し、結果としてナリボン一つ一つがよく発達したと推察されるが、現状ではこれら違いが生じる詳細な機構は明らかとなっていない。想像の域を超えないが、Dex や Ficoll はセルロースと同様に糖骨格を有するため、セルロースオリゴマーと相互作用して結晶核の生成を抑制し

ているのかもしれない。いずれにしても、クラウディング高分子の種類によって、セルロースの PISA により生成するナリボンの形態を制御できる可能性が示唆された。

## 5. ダブルネットワークゲルへの展開

近年、ゲルの力学物性を向上する戦略として、特性の異なる二つのネットワークからなるダブルネットワーク (DN) ゲルが注目されている<sup>29)</sup>。筆者らはセルロースオリゴマーからなるナリボンネットワークを成分の一つとする DN ゲルの構築について検討した。原理的には、クラウディング高分子を酵素反応後に架橋することにより DN ゲルをなることが期待される。そこで、酵素反応温度の 60  $^{\circ}\text{C}$  ではゾルでありながら、低温では物理架橋してゲル化するゼラチンをクラウディング高分子に適用した。

8% (w/v) のゼラチン水溶液中でセルロースの PISA を実施した結果、他のクラウディング高分子の場合と同様に、ナリボンネットワークからなるハイドロゲルが生成された (Figure 6a)<sup>26)</sup>。すなわち、ゼラチンもセルロースの PISA の制御に利用できることがわかった。そ



**Figure 6.** DN gels composed of nanoribbon and gelatin networks. a) SEM image of the nanoribbon network prepared in the presence of gelatin. b) Photograph of the DN gel. Compressive stress–strain curves (c) and Young's moduli (d) of the hydrogel. Reproduced in part with permission from Y. Hata *et al.*, *ACS Macro Lett.* **2017**, *6*, 165, American Chemical Society.

の後、反応液を室温まで徐冷することでゼラチンとの DN ゲルを構築した (Figure 6b)。圧縮試験によりゲルの力学物性を評価した結果、DN ゲルの弾性率は  $10.1 \pm 1.1$  kPa であり、この値はナリボン単独のゲル ( $1.8 \pm 0.7$  kPa) やゼラチン単独のゲル ( $1.7 \pm 1.0$  kPa) の弾性率の和のおよそ 3 倍であった (Figure 6c,d)。従って、温度にตอบสนองしてゾル-ゲル転移するゼラチンをクラウディング高分子として用いることで、力学物性に優れるセルロース系 DN ゲルを構築できることが明らかとなった。筆者らの知る限り、二つの成分が物理架橋ネットワークからなるこのような DN ゲルはほとんど報告されていない<sup>30,31)</sup>。

本 DN ゲルの弾性率の増大は、化学架橋を施したこれまでの DN ゲルと同様の機構で説明できる。龔らが報告した代表的な DN ゲル<sup>32)</sup> は、剛直で脆いポリ(2-アクリルアミド-2-メチルプロパンスルホン酸) (PAMPS) のネットワークと柔軟で伸びるポリアクリルアミド (PAAm) のネットワークからなり、変形時には脆い PAMPS が先に破壊される (犠牲となる) ことで強靭性を発揮することが明らかにされている<sup>29)</sup>。本 DN ゲルは結晶性セルロースオリゴマーでできた脆いナリボンネットワークと柔軟なゼラチンネットワークからなることから、変形時にはナリボンネットワークが破壊されることで力学物性が向上していると推察される。興味深いことに、本 DN ゲルの弾性率は単独成分のゲルの場合と比較して大幅に高く、これは PAMPS/PAAm 系 DN ゲルの弾性率が PAMPS 単独と同程度であること<sup>32)</sup>と異なった。この結果は、ナリボンネットワークとゼラチンネットワークが小さなひずみ下においても物理的に相互作用していることを示唆している。

本研究において力学物性評価に用いた圧縮試験では、ナリボン単独のゲルが明確な破断点を示さなかったため、靱性の向上を正確に評価することはできていないが、応力-ひずみ曲線 (Figure 6c) から求めた破壊エネルギーは少なくとも 3 倍以上に向上していた。今後、力学物性や変形時の構造変化を詳細に評価することで、剛性や靱性へのナリボンネットワークの寄与やそれらの向上メカニズムを明らかにしたいと考えている。

## 6. おわりに

本稿では、高分子クラウディング環境下での酵素反応を利用した PISA により、結晶性セルロースオリゴマーの集合構造を制御できる可能性について紹介した。今後、クラウディング高分子の概念を拡張することで、ハイドロゲルの力学物性や機能のさらなる制御が期待される。最近、筆者らは、コロイド粒子の存在下におけるセルロースの PISA によってもナリボンネットワークが生成されることを見出しており、これにより力学物性の向上と制御が達成できている<sup>33)</sup>。また、CDP によるセルロースの酵素合成にはグルコース誘導体をプライマーとして適用できることから<sup>21-25)</sup>、ナリボンに対して様々な機能を付与できるものと予想される。以上のことから、高分子クラウディング環境下におけるセルロースの PISA は、新たなセルロース系ソフトマテリアルを構築する有用な手法として今後の展開が大いに期待できる。また、PISA における高分子クラウディング環境の利用は、セルロースの酵素合成に留まることなく、凝集しやすい高分子集合体の構造制御に展開できる可能性も秘めている。

## 6. 謝辞

本研究は、最先端・次世代研究開発支援プログラム (GR022)、科学研究費補助 (26288056、26620174、16K14075) からの補助を受けて行った。ここに深く感謝する。

## 参考文献

- 1) B. Charleux, G. Delaittre, J. Rieger, F. D'Agosto, *Macromolecules* **2012**, *45*, 6753-6765.
- 2) N. J. Warren, S. P. Armes, *J. Am. Chem. Soc.* **2014**, *136*, 10174-10185.
- 3) G. Delaittre, C. Dire, J. Rieger, J.-L. Putaux, B. Charleux, *Chem. Commun.* **2009**, *0*, 2887-2889.
- 4) A. Blanazs, J. Madsen, G. Battaglia, A. J. Ryan, S. P. Armes, *J. Am. Chem. Soc.* **2011**, *133*, 16581-16587.
- 5) A. Blanazs, A. J. Ryan, S. P. Armes,

- Macromolecules* **2012**, *45*, 5099-5107.
- 6) S. Kobayashi, J. Sakamoto, S. Kimura, *Prog. Polym. Sci.* **2001**, *26*, 1525-1560.
  - 7) J. Kadokawa, *Chem. Rev.* **2011**, *111*, 4308-4345.
  - 8) S. Shoda, H. Uyama, J. Kadokawa, S. Kimura, S. Kobayashi, *Chem. Rev.* **2016**, *116*, 2307-2413.
  - 9) K. Tsuchiya, K. Numata, *Macromol. Biosci.* **2017**, *17*, 1700177.
  - 10) R. J. Ellis, *Trends Biochem. Sci.* **2001**, *26*, 597-604.
  - 11) H.-X. Zhou, *FEBS Lett.* **2013**, *587*, 1053-1061.
  - 12) S. Nakano, D. Miyoshi, N. Sugimoto, *Chem. Rev.* **2014**, *114*, 2733-2758.
  - 13) L. Breydo, K. D. Reddy, A. Piai, I. C. Felli, R. Pierattelli, V. N. Uversky, *Biochim. Biophys. Acta* **2014**, *1844*, 346-357.
  - 14) X. Zhang, M. R. Servos, J. Liu, *J. Am. Chem. Soc.* **2012**, *134*, 9910-9913.
  - 15) Y. Habibi, L. A. Lucia, O. J. Rojas, *Chem. Rev.* **2010**, *110*, 3479-3500.
  - 16) D. Klemm, F. Kramer, S. Moritz, T. Lindström, M. Ankerfors, D. Gray, A. Dorris, *Angew. Chem. Int. Ed.* **2011**, *50*, 5438-5466.
  - 17) R. J. Moon, A. Martini, J. Nairn, J. Simonsen, J. Youngblood, *Chem. Soc. Rev.* **2011**, *40*, 3941-3994.
  - 18) M. Hiraishi, K. Igarashi, S. Kimura, M. Wada, M. Kitaoka, M. Samejima, *Carbohydr. Res.* **2009**, *344*, 2468-2473.
  - 19) T. Serizawa, M. Kato, H. Okura, T. Sawada, M. Wada, *Polym. J.* **2016**, *48*, 539-544.
  - 20) Y.-H. P. Zhang, L. R. Lynd, *Biotechnol. Bioeng.* **2004**, *88*, 797-824.
  - 21) Y. Yataka, T. Sawada, T. Serizawa, *Chem. Commun.* **2015**, *51*, 12525-12528.
  - 22) T. Nohara, T. Sawada, H. Tanaka, T. Serizawa, *Langmuir* **2016**, *32*, 12520-12526.
  - 23) Y. Yataka, T. Sawada, T. Serizawa, *Langmuir* **2016**, *32*, 10120-10125.
  - 24) T. Nohara, T. Sawada, H. Tanaka, T. Serizawa, *J. Biomater. Sci. Polym. Ed.* **2017**, *28*, 925-938.
  - 25) J. Wang, J. Niu, T. Sawada, Z. Shao, T. Serizawa, *Biomacromolecules*, DOI: 10.1021/acs.biomac.1027b01224.
  - 26) Y. Hata, T. Kojima, T. Koizumi, H. Okura, T. Sakai, T. Sawada, T. Serizawa, *ACS Macro Lett.* **2017**, *6*, 165-170.
  - 27) Y. Hata, T. Sawada, T. Serizawa, *Polym. J.* **2017**, *49*, 575-581.
  - 28) C. F. Lee, S. Bird, M. Shaw, L. Jean, D. J. Vaux, *J. Biol. Chem.* **2012**, *287*, 38006-38019.
  - 29) J. P. Gong, *Soft Matter* **2010**, *6*, 2583-2590.
  - 30) C. Li, M. J. Rowland, Y. Shao, T. Cao, C. Chen, H. Jia, X. Zhou, Z. Yang, O. A. Scherman, D. Liu, *Adv. Mater.* **2015**, *27*, 3298-3304.
  - 31) H. J. Zhang, T. L. Sun, A. K. Zhang, Y. Ikura, T. Nakajima, T. Nonoyama, T. Kurokawa, O. Ito, H. Ishitobi, J. P. Gong, *Adv. Mater.* **2016**, *28*, 4884-4890.
  - 32) J. P. Gong, Y. Katsuyama, T. Kurokawa, Y. Osada, *Adv. Mater.* **2003**, *15*, 1155-1158.
  - 33) Y. Hata, T. Sawada, T. Sakai, T. Serizawa, *Polym. Prepr. Jpn.* **2017**, *66*, 3H03.